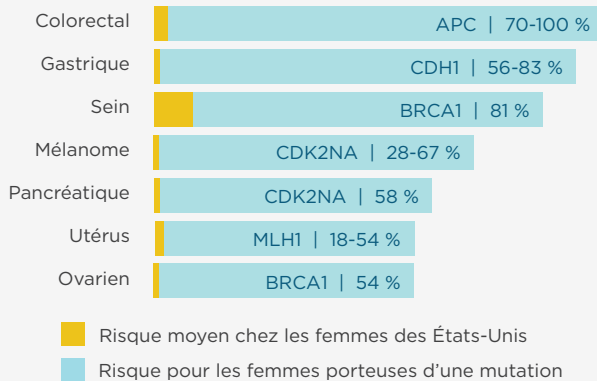


Aidez vos patients à connaître leur risque génétique pour les cancers héréditaires les plus communs.

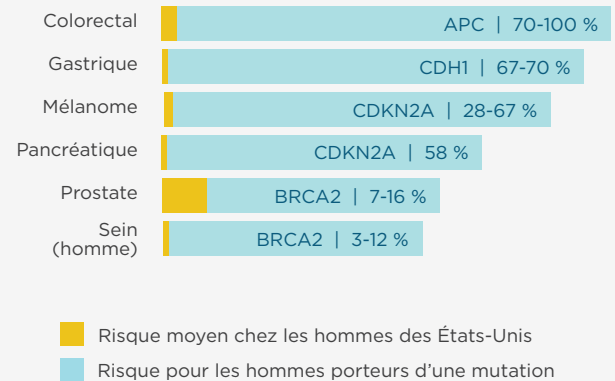
Les mutations génétiques héréditaires augmentent le risque de développer un cancer au cours de la vie.

Les 30 gènes inclus dans le test Color ont été sélectionnés en fonction de leur association à un risque accru de cancer. Des mutations dans les gènes suivants peuvent augmenter le risque de cancer, tel que décrit ci-dessous.¹⁻⁷

Risque de développer un cancer pour une femme porteuse d'une mutation



Risque de développer un cancer pour un homme porteur d'une mutation



Color rapporte de l'information cliniquement actionnable ayant un impact sur la prise en charge des patients.

Les tests génétiques peuvent vous aider à élaborer un plan de dépistage personnalisé afin d'augmenter les chances de détection précoce pour vos patients. Vous pouvez envisager l'utilisation du test Color pour tout patient désirant connaître son risque de cancer héréditaire incluant:

- Les patients ayant une histoire personnelle ou familiale de cancer
- Les patients ayant des origines associées à un risque accru de mutation héréditaire
- Les patients ne répondant pas aux critères pour une analyse subventionnée
- Les patients qui sont intéressés à en connaître davantage sur leur génétique

* Dynacare offre à vous et vos patients l'accès à notre équipe de conseillers en génétique pour répondre à toute question concernant le test Color et les résultats de vos patients. Vous pouvez également demander une session de conseil génétique pour vos patients avant de procéder au test.

Un laboratoire, une équipe et des technologies de pointe générant des résultats fiables.

- Color a effectué deux études à l'aveugle afin d'évaluer la validité du test.⁸ Plus de 700 échantillons ont été analysés et tous les variants génétiques ont été détectés avec une exactitude de plus de 99 %.
- Le laboratoire Color est accrédité CAP et est certifié par CLIA. Il utilise les plus récentes technologies, incluant des code-barres et des robots manipulateurs de liquides à la fine pointe, afin d'assurer l'intégrité de tous les résultats.
- L'équipe scientifique de Color, incluant les Ph.D. et M.D., utilise les outils de pointe pour classifier les variants selon les recommandations de l'ACMG. Les variants rapportés sont confirmés par une autre méthodologie indépendante et sont révisés tous les 6 mois. Les variants sont anonymisés et partagés dans des bases de données génomiques publiques.
- Le délai moyen des résultats est de 3 à 5 semaines suivant le jour de la réception de l'échantillon.

Le test Color analyse les gènes pour lesquels des mutations peuvent augmenter le risque de vos patients de développer un cancer du sein, du côlon, un mélanome, des ovaires, du pancréas, de la prostate, de l'estomac et de l'utérus.

Gène	Sein	Ovaires	Utérus	Côlon	Mélanome	Pancréas	Estomac	Prostate*
BRCA1	•	•				•		•
BRCA2	•	•			•	•		•
MLH1		•	•	•		•	•	
MSH2		•	•	•		•	•	
MSH6		•	•	•			•	
PMS2***		•	•	•				
EPCAM**		•	•	•		•	•	
APC				•		•	•	
MUTYH				•				
MITF**					•			
BAP1					•			
CDKN2A					•	•		
CDK4**					•			
TP53	•	•	•	•	•	•	•	•
PTEN	•		•	•	•			
STK11	•	•	•	•		•	•	
CDH1	•						•	
BMPR1A				•		•	•	
SMAD4				•		•	•	
GREM1**				•				
POLD1**				•				
POLE**				•				
PALB2	•	•				•		
CHEK2	•			•				•
ATM	•					•		
NBN	•							•
BARD1	•	•						
BRIP1	•	•						
RAD51C		•						
RAD51D		•						

* Veuillez prendre note que les études et les lignes directrices de dépistage des gènes associés au cancer héréditaire de la prostate en sont encore à leurs débuts. Le service Color vous tiendra informés si des informations relatives à vos résultats sont modifiées.

** Seules les régions connues comme ayant un impact sur le risque de cancer sont analysées: CDK4: seulement chr12:g.58145429-58145431 (codon 24) analysé, EPCAM: uniquement les grandes délétions et duplications incluant l'extrémité 3' du gène sont analysées, GREM1: uniquement les duplications en amont de la région régulatrice sont analysées, MITF: seulement chr3:g.70014091 (incluant c.952G>A) analysé, POLD1: seulement chr19:g.50909713 (incluant c.1433G>A) analysé, POLE: seulement chr12:g.133250250 (incluant c.1270C>G) analysé.

*** PMS2: Exons 12-15 ne sont pas analysés.